

Statistik für Digital Humanities

Visualisierung

Dr. Jochen Tiepmar

Institut für Informatik
Abteilung Computational Humanities
Universität Leipzig

04. November 2019

[Letzte Aktualisierung: 28/11/2019, 14:59]

Grundsätze guter Visualisierung

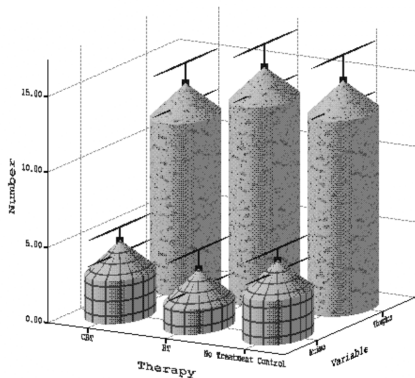
Nach Tufte(2001):

- Daten zeigen
- Leser_Innen dazu bringen, über die Daten nachzudenken (statt darüber, wie rot sie sind)
- **Graphmüll** (Chartjunk) vermeiden
- Verzerrung vermeiden
- **Minimum Ink**: Viel Information mit wenig Tinte zeigen
- Kohärenz herstellen, vor allem bei großen Datenmengen
- Vergleichbarkeit ermutigen
- Informationen offenbaren

Graphmüll

Error Bars show 95.0 % CI of Mean

Bars show Means

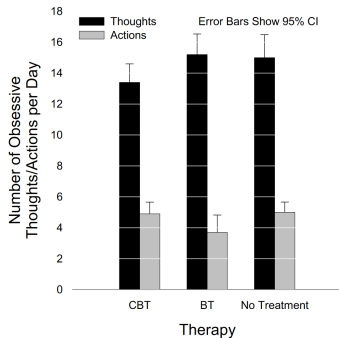
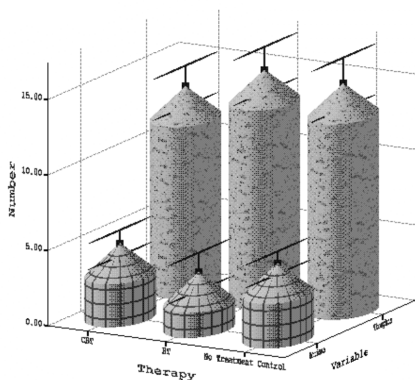


- Nie 3D-Effekt bei 2D-Daten verwenden
- Informationslose Muster/Texturen
- Zylindrische Balken verzerren die Daten
- Schlecht benannte Achse *Numbers*

Graphmüll

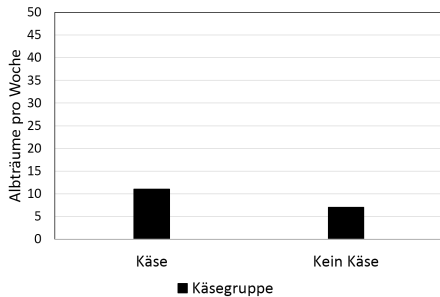
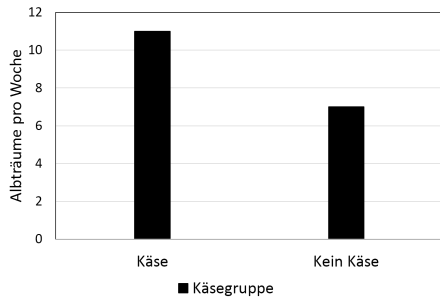
Error Bars show 95.0 % CI of Mean

Bars show Means



- 2D
- Keine unnötigen Ablenkungen
- Minimum Ink
- aussagekräftige Achsenbezeichnung

Suggestion durch Formatierung



Grundlagen statistischer Visualisierung

- Vertikale Achse = y-Achse
- Horizontale Achse = x-Achse

Grundregeln:

- Keine nicht vorhandenen Eindrücke suggerieren
- Keine wichtigen Effekte verbergen
- Minimum Ink
- Kein Graphmüll (Chartjunk)

Ausflug ggplot2

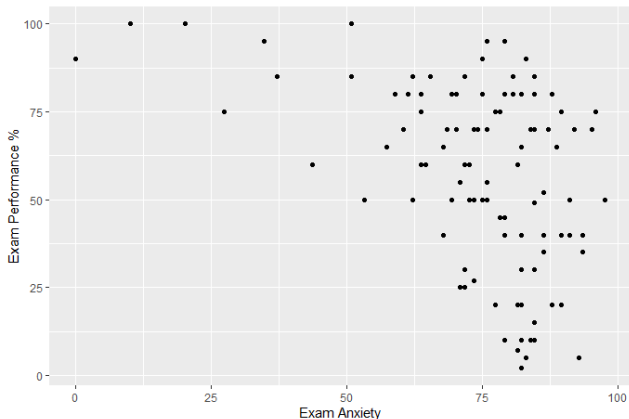
- ggplot2 = Visualisierungspaket für R
- Codesnippets im folgenden zur praktischen Veranschaulichung
- Installation

```
install.packages("ggplot2")  
library(ggplot2)
```

- Siehe Begleitlektüre für Tutorial und Datensätze sowie einen fertigen Start-Workspace für RStudio
- Folgendes Skript sollte einen Plot erzeugen

```
library(ggplot2)  
data<-read.delim("FacebookNarcissism.dat", header=TRUE)  
graph<-ggplot(data, aes(NPQC_R_Total, Rating))  
graph + geom_point()
```

Scatterplot

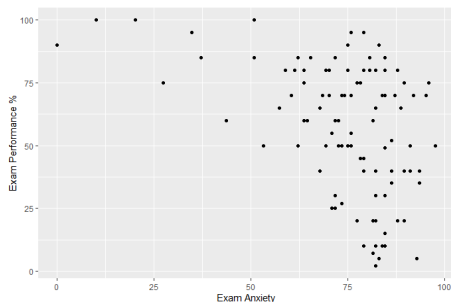


```
data<-read.delim("Exam Anxiety.dat", header=TRUE)
graph<-ggplot(data, aes(Anxiety, Exam))
graph + geom_point() + labs(x = "Exam Anxiety", y = "Exam Performance %")
```


Scatterplot

- 2D Daten
 - Mehr Dimensionen möglich (Farbe, Form, ...) → Gruppierter Scatterplot
- Beziehungen zwischen 2 Variablen
- Extremwerte (Outlier) identifizierbar

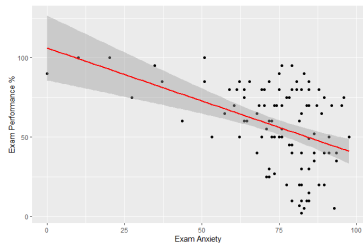
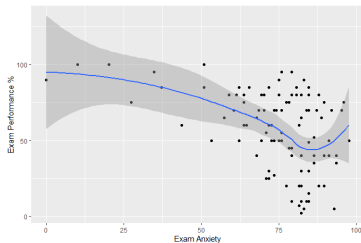
Scatterplot



Interpretation:

- Großteil hat Prüfungsangst
 - Keine offensichtlichen Outlier
 - Trend guter Noten bei geringer Prüfungsangst
 - Trend variable Noten bei hoher Prüfungsangst
- → Weniger Sorge erhöht Notenschnitt?

Scatterplot Regressionsgerade

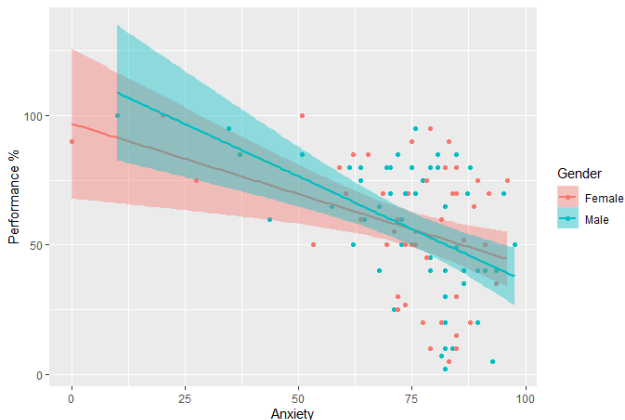


`geom_smooth()`

Grauer Bereich = 95% Konfidenzintervall

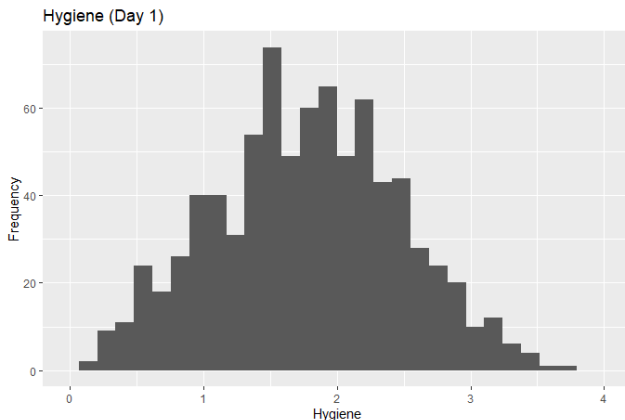
```
data<-read.delim("Exam Anxiety.dat", header=TRUE)
graph<-ggplot(data, aes(Anxiety, Exam))
graph + geom_point() + geom_smooth(method="lm") +
  labs(x = "Exam Anxiety", y = "Exam Performance %")
```

Gruppiertes Scatterplot



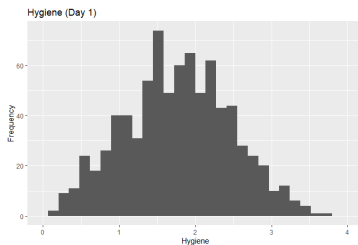
```
data<-read.delim("Exam Anxiety.dat", header=TRUE)
graph<-ggplot(data, aes(Anxiety, Exam, color=Gender))
graph + geom_point() + geom_smooth(method="lm", aes(fill=Gender)) +
  labs(x = "Anxiety", y = "Performance %")
```

Histogramm (Häufigkeitsverteilung)



```
festivaldata<-read.delim("DownloadFestival.dat", header=TRUE)
festivalhistogram<-ggplot(festivaldata, aes(day1))
festivalhistogram + ggtitle ("Hygiene (Day 1)") + xlim(0,4) + geom_histogram() +
  labs(legend.position = "none", x = "Hygiene", y = "Frequency")
```

Histogramm (Häufigkeitsverteilung)



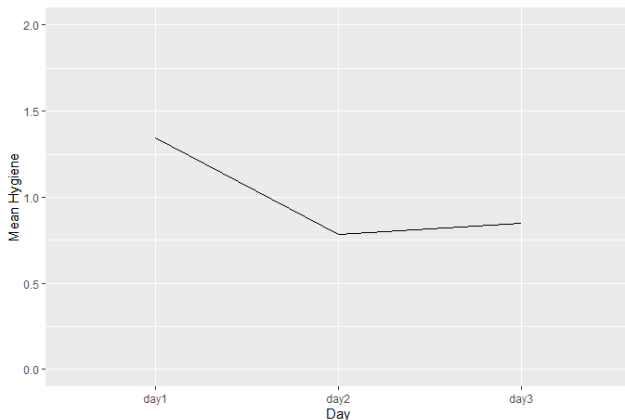
0 = "You smell like a corpse that's been left to rot in a skunk's arse" (Andy Field)

4 = "You smell of sweet roses on a fresh spring day" (Andy Field)

Interpretation:

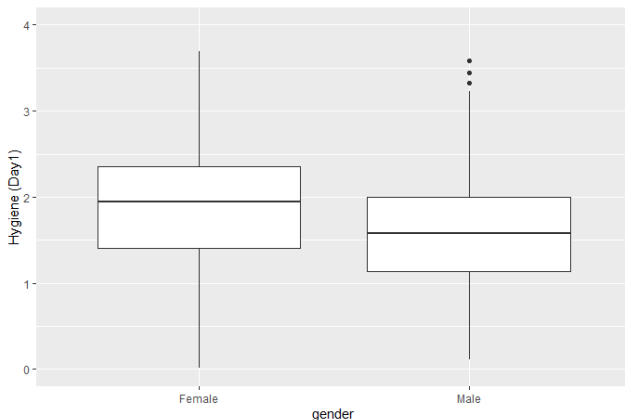
- Hygiene etwa normalverteilt

Line Charts



```
festivalstack<-read.delim("festival_stack.dat", header=TRUE)
bar <- ggplot(festivalstack, aes(day, hygiene))
bar + stat_summary(fun.y =mean, geom="line", aes(group=1)) +
  labs(y="Mean Hygiene", x = "Day") + ylim(0,2)
```

Boxplot

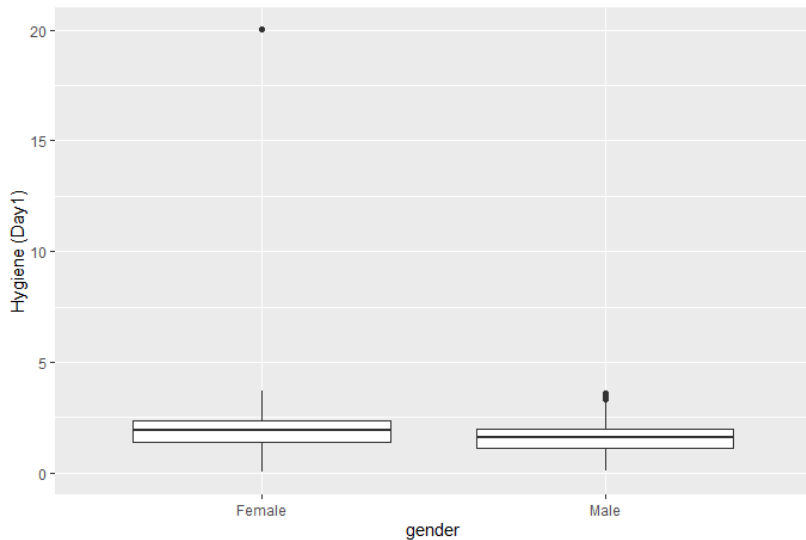


```
festivaldata<-read.delim("DownloadFestival.dat", header=TRUE)
festivalboxplot<-ggplot(festivaldata, aes(gender, day1))
festivalboxplot + geom_boxplot()+labs(y="Hygiene (Day1)") + ylim(0,4)
```

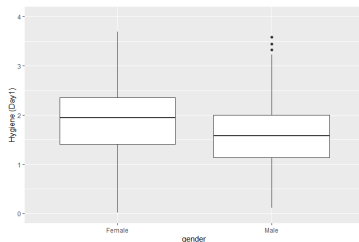

Boxplot

- Box-Whisker-Diagramm
- Mittelpunkt = Median
- Box = Interquartilsabstand (IR) (50% aller Werte um Median)
- Oberer / Unterer Whisker = Maximum/Minimum, aber höchstens $1.5 * IR$ in jede Richtung
- Werte außerhalb der Whisker als Sternchen (Outlier)
- Workaroud wenn Gruppierung nicht gewünscht
`aes(x = factor(0), day1)`
 - <https://stackoverflow.com/questions/15027659/how-do-you-draw-a-boxplot-without-specifying-x-axis>

Boxplot und Outlier



Boxplot



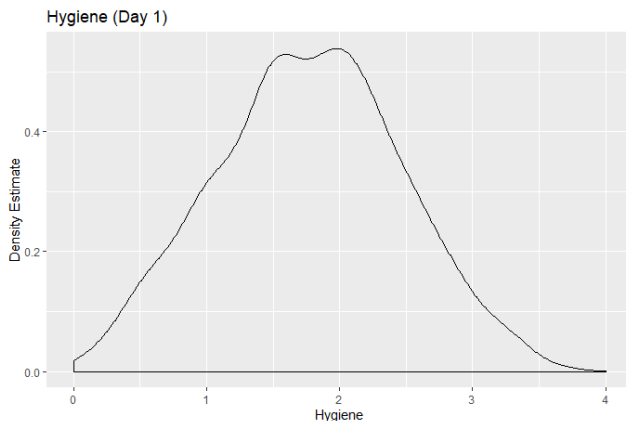
0 = "You smell like a corpse that's been left to rot in a skunk's arse" (Andy Field)

4 = "You smell of sweet roses on a fresh spring day" (Andy Field)

Interpretation:

- Corpsigkeit etwa gleich
- Blumigkeit bei Females höher
- Blumigste Females entsprechen Outliern bei Males
- IR etwa gleich groß, Verteilung pro Gruppe ähnlich
- Spannweite bei Females größer
- Box bei Females höher, insgesamt Females also blumiger

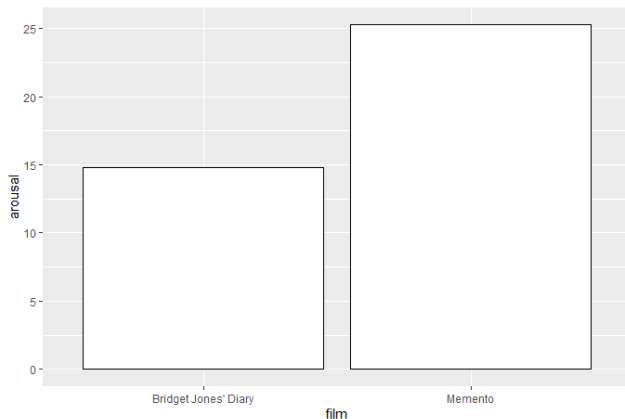
Density Plot



"Smoothe" Häufigkeitsverteilung

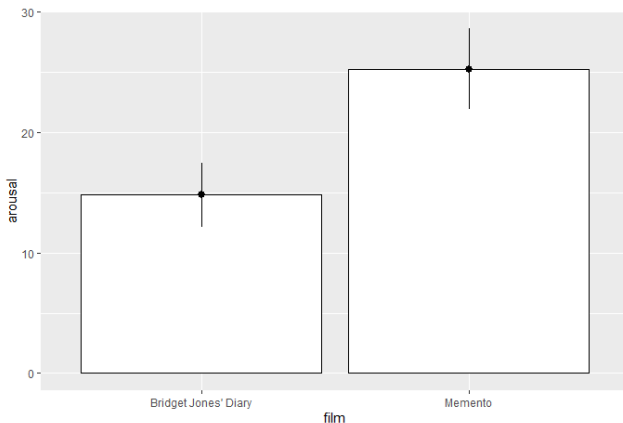
```
festivaldata<-read.delim("DownloadFestival.dat", header=TRUE)
festivalhistogram<-ggplot(festivaldata, aes(day1))
festivalhistogram + ggtitle ("Hygiene (Day 1)") + xlim(0,4) + geom_density() +
  labs(legend.position = "none", x = "Hygiene", y = "Density Estimate")
```

Bar Charts / 1 Unabhängige Variable



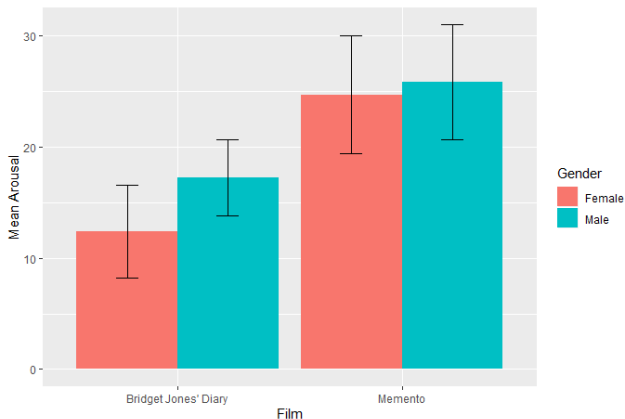
```
chickFlickdata<-read.delim("ChickFlick.dat", header=TRUE)
bar <- ggplot(chickFlickdata, aes(film,arousal))
bar + stat_summary(fun.y =mean, geom="bar", fill="White", color="Black")
```

Bar Chart mit Konfidenzintervall (95%)



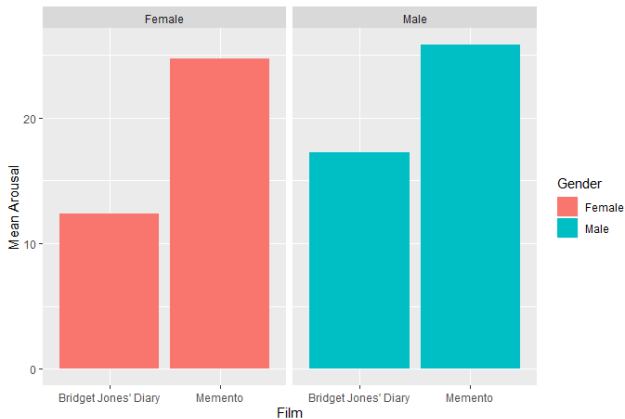
```
chickFlickdata<-read.delim("ChickFlick.dat", header=TRUE)
bar <- ggplot(chickFlickdata, aes(film,arousal))
bar + stat_summary(fun.y =mean, geom="bar", fill="White", color="Black") +
  stat_summary(fun.data = mean_cl_normal, geom="pointrange")
```

Mehrere Unabhängige Variablen + Error Bar



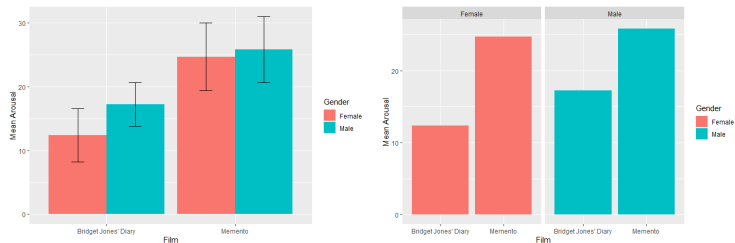
```
chickFlickdata<-read.delim("ChickFlick.dat", header=TRUE)
bar <- ggplot(chickFlickdata, aes(film,arousal, fill=gender))
bar + stat_summary(fun.y =mean, geom="bar", position="dodge") +
  stat_summary(fun.data = mean_cl_normal, geom="errorbar",
  position = position_dodge(width=0.90), width=0.2) +
  labs (x = "Film", y = "Mean Arousal", fill="Gender")
```

Mehrere Unabhängige Variablen + Facette



```
chickFlickdata<-read.delim("ChickFlick.dat", header=TRUE)
bar <- ggplot(chickFlickdata, aes(film,arousal, fill=gender))
bar + stat_summary(fun.y = mean, geom = "bar") +
  facet_wrap (~ gender) +
  labs (x = "Film", y = "Mean Arousal", fill="Gender")
```


Bar Charts



Interpretation:

- Arousal pro Film zwischen Females und Males etwa gleich
- Bridget Jones finden beide langweiliger als Memento

Lies, damned Lies and Statistics

- p-Hacking: Daten anpassen um p hochzutreiben
- Kumulation
- Diagramme & Skalierung
 - Fehlender Nullpunkt
 - Logarithmische vs. Lineare Skalierung
 - Suggestierte Zusammenhänge zwischen Nominaldaten (bspw durch Reihenfolge oder Linien)
 - Zoom
- Suggestive Farbcodierung
 - Künstliche irreführende Abgrenzung durch scharfe Farbtongrenzen
 - kulturelle Interpretation von Farben (rot = negativ)
 - <http://colorbrewer2.org/> kann helfen bei Farbwahl

Zusammenfassung

- Grundlagen statistischer Visualisierung
 - Verzerrung und Chartjunk vermeiden, Minimum Ink, Aussagekraft, ...
- Verschiedene Diagramme
 - Scatterplots, Histogram, Line Charts, Boxplots, Density Plots, Bar Charts, ...
- Irreführung erkennen und vermeiden
 - p-Hacking, Kummulation, Diagramme & Skalierung, Suggestive Farbcodierung, ...